

7 月 24日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 2 (天樹)

11:00 ~ 11:45

教育講演1 / Educational Lecture 1

座長: 荒木 令江 (熊本大学大学院生命科学研究部)

**1E-1** レドックス研究から糖鎖生物学へ  
11:00 ~ 11:45 From Redox Research to Glycobiology

○ 谷口 直之  
大阪国際がんセンター研究所

会場 3 (天葉)

12:15 ~ 13:00

招待講演1 (KHUPO) / Invited Lecture 1 (KHUPO)

座長: 梶 裕之 (産業技術総合研究所)

**1PL-1** Reference Proteome-Based Subtyping of Liver Cancer  
12:15 ~ 13:00

Y.-I. Kim · O.J. E. Lee  
Center for Bioanalysis, Korea Research Institute of Standards and Science

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 3 (天葉)

8:50 ~ 10:50

受賞講演1 / Award Lecture 1

座長: 佐藤 雄一 (北里大学医療衛生学部)

**2AW-1** 電気泳動を用いたタンパク質の翻訳後修飾解析

9:35 ~ 10:05

○ 木村 弥生

横浜市立大学先端医科学研究センター

**2AW-2** 造血器腫瘍の最新臨床医学のための電気泳動

10:05 ~ 10:35

○ 安井 寛

東京大学医科学研究所附属病院

会場 1 (蘭玉)

11:00 ~ 11:50

特別講演 / Plenary Lecture

座長: 榊原 陽一 (宮崎大学農学部)

**2PL-1** From Peptide Hunting to Peptidome Analysis and Beyond

11:00 ~ 11:50 ペプチド探索からペプチドーム解析、そしてその先へ

○ 南野 直人

国立循環器病研究センター創薬オミックス解析センター

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

10:50 ~ 11:35

招待講演 2 (jPOST) / Invited Lecture 2 (jPOST)

座長: 石濱 泰 (京都大学)

**3PL-1** Translating proteomics big data into community knowledge bases

10:50 ~ 11:35

Benjamin Pullman<sup>1,2</sup> · Julie Wertz<sup>1,2</sup> · Seungjin Na<sup>1,2</sup> · Jeremy Carver<sup>1,2</sup> ·

○ Nuno Bandeira<sup>1,2</sup>

Center for Computational Mass Spectrometry<sup>1</sup>, University of California, San Diego<sup>2</sup>

会場 1 (蘭玉)

14:40 ~ 15:25

教育講演 2 / Educational Lecture 2

座長: 藏満 保宏 (北海道医療大学)

**3E-1** メディカルプロテオミクス -治療から予防へ-

14:40 ~ 15:25

Medical Proteomics -from Treatment to Prevention-

○ 中村 和行

地域医療支援病院 オープンシステム 徳山医師会病院 検査・健診センター

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

15:30 ~ 16:30

受賞講演2 / Award Lecture 2

座長: 石濱 泰 (京都大学)

**3AW-1** グライコプロテオーム分析技術の開発とその応用  
15:30 ~ 15:50 Development of Glycoproteome Analysis Technology and Its Applications

○ 梶 裕之

産業技術総合研究所 創薬基盤研究部門

座長: 平野 久 (横浜市立大学)

**3AW-2** リン酸化プロテオミクスのためのPhos-tag技術の開発とその応用  
15:50 ~ 16:10 Development and Application of Phos-tag Technology for Phosphoproteomics

○ 木下 英司

広島大学大学院医系科学研究科

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

15:30 ~ 16:30

受賞講演2 / Award Lecture 2

座長: 松本 雅記 (九州大学)

**3AW-3** SWATH法による定量プロテオーム解析を基盤とした薬物動態と細胞病態に関する研究  
16:10 ~ 16:20  
SWATH-based Comprehensive Quantitative Proteomics for Understanding Xenobiotics and Cellular Pathology

○ 伊藤 慎悟  
熊本大学大学院生命科学研究部

座長: 足立 淳 (医薬基盤・健康・栄養研究所学)

**3AW-4** 転写後・翻訳制御機構の解明に向けたプロテオミクス基盤技術の開発  
16:20 ~ 16:30  
Development of proteomics technologies to understand post-transcriptional and translational regulations

○ 今見 考志  
京都大学大学院薬学研究科

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 2 (天樹)

13:40 ~ 15:40

シンポジウム S1-1 / Symposium S1-1

座長: 小松 節子 (福井工業大学)

藤村 由紀 (九州大学)

## オミクスソリューションが切り開くアグリバイオ研究の新たなビジョン

**1S1-1** MALDI-MSプロファイリング・イメージング法が切り開くフードミクスの新展開  
13:40 ~ 14:05 MALDI-MS Imaging and Profiling Opening a New Avenue for Foodomics

○ 三浦 大典<sup>1</sup>・藤村 由紀<sup>2</sup>・立花 宏文<sup>2</sup>  
産業技術総合研究所<sup>1</sup>・九州大学大学院農学研究院<sup>2</sup>

**1S1-2** モノリステクノロジーが切り開く次世代プロテオミクス・メタボロミクス  
14:05 ~ 14:30 Improved proteomics and metabolomics by using monolith technologies

○ 青木 航・植田 充美  
京都大学大学院農学研究科

**1S1-3** ストレス下のダイズのオミクス統合ネットワークから展開する技術  
14:30 ~ 14:55 The Technology Developed from Omics Integration Network of Soybeans under Stress

○ 小松 節子<sup>1</sup>・坂田 克己<sup>2</sup>  
福井工業大学<sup>1</sup>・前橋工科大学<sup>2</sup>

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 2 (天樹)

13:40 ~ 15:40

シンポジウム S1-1 / Symposium S1-1

座長: 小松 節子 (福井工業大学)

藤村 由紀 (九州大学)

**1S1-4** 偽装カシミア製品の根絶に向けた獣毛鑑別法  
14:55 ~ 15:20 Identification of Fake Cashmere Products by using Electrophoresis

○ 増田 豪<sup>1,2</sup>

熊本大学大学院生命科学研究部<sup>1</sup>・ニッセンケン品質評価センター<sup>2</sup>

**1S1-5 (P1A)** QconCAT法によるトマト腺状トライコームの定量プロテオミクス  
15:20 ~ 15:30 Quantitative proteomics of tomato glandular trichomes using QconCAT

○ 武森 文子・野並 浩・武森 信暁

愛媛大学

**1S1-6 (P2B)** バイオマーカータンパク質定量による食品機能予測システムの確立  
15:30 ~ 15:40 Establishment of a Model System for Estimating Multiple Functions of Food Components Based on the Quantitative Analysis of Biomarker Proteins

○ 大田 輝・黒木 勝久・永濱 清子・水光 正仁・榊原 陽一

宮崎大学大学院農学研究科

7 月 24日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 3 (天葉)

13:40 ~ 15:40

シンポジウム S1-2 / Symposium S1-2

座長: 木村 弥生 (横浜市立大学)

亀山 昭彦 (産業技術総合研究所)

### 新規開発の電気泳動技術1 『革新的な電気泳動が拓く未来』

**1S2-1** ライフサイエンス分野における誘電泳動の最新成果  
13:40 ~ 14:05 Applications of Dielectrophoresis in Life Science

○ 中野 道彦  
九州大学システム情報科学研究所

**1S2-2** 粒子電気泳動の原理とエクソソーム分析への応用  
14:05 ~ 14:30 Principle of particle electrophoresis and its application to exosome analysis

○ 赤木 貴則  
東京工業大学 環境・社会理工学院

**1S2-3** 脂質分子の個性を見分ける脂質ナノ膜場電気泳動法の創成  
14:30 ~ 14:55 Establishment of Electrophoretic Method in Lipid Membrane for High Performance Separation

○ 岡本 行広  
大阪大学 大学院基礎工学研究科



7 月 24日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 3 (天葉)

13:40 ~ 15:40

シンポジウム S1-2 / Symposium S1-2

座長: 木村 弥生 (横浜市立大学)

亀山 昭彦 (産業技術総合研究所)

**1S2-4** レクチンアフィニティーゲル電気泳動法を利用したO-GlcNAc 化タンパク質の  
14:55 ~ 15:20 解析

Development of WGA-based lectin affinity gel electrophoresis for quantitative analysis of O-GlcNAc proteins

○ 久保田 裕二・武川 睦寛

東京大学医科学研究所 分子シグナル制御分野

**1S2-5 (P5A)** 水中拘束ストレスマウスの大脳皮質を対象とした包括的なタンパク質存在様  
15:20 ~ 15:30 式の比較分析

Comparative analysis of post-translational modifications including proteolysis of proteins in mouse cerebral cortex under the restraint water stress

○ 紺野 亮<sup>1</sup>・伊藤 大晃<sup>1</sup>・樋口 雅崇<sup>1</sup>・松井 崇<sup>1</sup>・佐藤 俊哉<sup>2</sup>・板倉 誠<sup>3</sup>・  
小寺 義男<sup>1,4</sup>

北里大学理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学医学部実験動物学<sup>2</sup>・北里大学医学部生化学<sup>3</sup>・  
北里大学理学部附属疾患プロテオミクスセンター<sup>4</sup>

**1S2-6 (P6B)** リン酸化タンパク質選択的な電気泳動ゲル蛍光染色法  
15:30 ~ 15:40 Phosphoprotein Gel Stain by Fluorophore-labeled Phos-tag Derivatives

○ 草本 寛・木下 恵美子・木下 英司・小池 透

広島大学大学院 医歯薬保健学研究科 医薬分子機能科学研究室

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 2 (天樹)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S1-3 / Symposium S1-3

座長: 内田 浩二 (東京大学大学院農学生命科学研究科)

赤池 孝章 (東北大学大学院医学系研究科)

生体成分のレドックス修飾と機能解析  
レドックス・ライフイノベーション第170委員会共催

**1S3-1** タンパク質ジスルフィド結合のチオール化修飾と病態  
16:00 ~ 16:30 Unique thiol modification of protein disulfides in diseases

○ 内田 浩二

東京大学大学院農学生命科学研究科

**1S3-2** 新規の内在性機能性物質2-オキシイミダゾールジペプチドの発見  
16:30 ~ 17:00 Identification of novel functional oxidation products, 2-oxo-imidazole dipeptides

○ 居原 秀

大阪府立大学大学院理学系研究科生物科学

**1S3-3** オキシリポドミクス技術開発を目指して  
17:00 ~ 17:30 Aiming at Development of Oxi-Lipidomics

○ 山田 健一<sup>1,2</sup>

九州大学大学院薬学研究院<sup>1</sup>・AMED-CREST<sup>2</sup>

**1S3-4** タンパク質パーズルフィドの生合成・生理機能とプロテオミクス  
17:30 ~ 18:00 Translation-coupled persulfide biosynthesis: Its physiology and sulfur proteome

○ 赤池 孝章

東北大学大学院医学系研究科・環境医学

7 月 24日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 3 (天葉)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S1-4 / Symposium S1-4

座長: 志村 清仁 (福島医大医)

齋藤 伸吾 (埼玉大院理工)

新規開発の電気泳動技術2 『キャピラリー電気泳動によるバイオ分析の諸相』

**1S4-1** 1ラウンド電気泳動選抜と大規模配列解析に基づくタンパク質結合型DNAア  
16:00 ~ 16:30 プタマーの獲得

Efficient DNA Aptamer Selection by Means of Single-Round CE Separation and Next Generation Sequencing Analysis

○ 齋藤 伸吾

埼玉大学大学院理工学研究科

**1S4-2** 超高感度キャピラリー電気泳動を用いた微量オミックス分析  
16:30 ~ 17:00 Trace Omics Analysis by Ultra-sensitive Capillary Electrophoresis

○ 川井 隆之<sup>1,2</sup>

理化学研究所 生命機能科学研究センター<sup>1</sup>・大阪大学大学院 生命機能研究科<sup>2</sup>

**1S4-3** レーザー励起蛍光検出アフィニティーキャピラリー電気泳動による糖タンパク  
17:00 ~ 17:30 質糖鎖解析とその応用

Glycoprotein Glycan Analysis by LIF Detection Affinity Capillary Electrophoresis and its Application to the Detection of Specific Glycans

○ 鈴木 茂生

近畿大学薬学部

**1S4-4** バイオアフィニティーとキャピラリー等電点電気泳動の結合によるタンパク質  
17:30 ~ 18:00 の電荷バリエーション分析

Charge-Variant Analysis of Proteins Based on the Coupling of Bioaffinity and Capillary Isoelectric Focusing

○ 志村 清仁<sup>1,2</sup>

福島医大医学部<sup>1</sup>・エースバイオアナリシス株式会社<sup>2</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 1 (蘭玉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S2-1 / Symposium S2-1

座長: 杉山 直幸 (京都大学)

増田 豪 (熊本大学)

## オミクス解析を加速する新技術

### 2S1-1 極微量試料のプロテオーム解析を加速する試料前処理法

8:50 ~ 9:10 A novel sample preparation method for accelerating proteome profiling of minuscule amount of samples

○ 若林真樹  
国立循環器病研究センター

### 2S1-2 DIA分析技術を基盤とした高深度プロテオーム解析システムの構築とその応用

9:10 ~ 9:30 Optimization of DIA-MS for deep proteome analysis

○ 川島祐介  
かずさDNA研究所

### 2S1-3 (P9A) 定量プロテオミクスの感度および定量性向上を目指した新規相間移動溶解法の開発

9:30 ~ 9:40 Optimization of Phase Transfer Surfactant Cocktail for Quantitative Proteomics.

○ 古川 亜里朱<sup>1</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・稲森 悠真<sup>1</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>  
熊本大学大学院薬学教育部<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 1 (蘭玉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S2-1 / Symposium S2-1

座長: 杉山 直幸 (京都大学)

増田 豪 (熊本大学)

**2S1-4 (P10B)** サイズ排除クロマトグラフィーによるリボソームの分離と細胞内全タンパク質複合体の網羅的解析に向けて  
9:40 ~ 9:50

Towards the comprehensive characterisation of cellular protein complexes by Size Exclusion Chromatography

○ 吉川 治孝・Lamond Angus

ダンディー大学

**2S1-5 (P13A)** 新規ラベル化プロテオミクス技術による創薬ターゲット探索技術の開発  
9:50 ~ 10:10  
Target discovery method for development of antibody drugs using original labeling proteomics technology

○ 鎌田 春彦<sup>1</sup>・中山 泰亮<sup>1</sup>・秋葉 宏樹<sup>1</sup>・津本 浩平<sup>1,2</sup>・西村 翔太<sup>1,3</sup>・井上 豪<sup>1,3</sup>

医薬基盤・健康・栄養研究所<sup>1</sup>・東京大学<sup>2</sup>・大阪大学<sup>3</sup>

**2S1-6** タンパク質修飾化学に基づくコンディショナルプロテオミクス法の開発  
10:10 ~ 10:30  
Development of new methods for conditional proteomics based on chemical protein modification

○ 田村朋則

京都大学工学研究科、合成・生物化学専攻

**2S1-7** インタラクトームを基盤としたタンパク質キナーゼの基質探索  
10:30 ~ 10:50  
An interactome-based proteomic approach for comprehensive substrate screening of protein kinases

○ 天野 睦紀・貝淵 弘三

名古屋大学大学院医学系研究科

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 2 (天樹)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S2-2 / Symposium S2-2

座長: 明石 良 (宮崎大学)

橋口 正嗣 (宮崎大学)

プロテオーム研究におけるNBRPリソース活用最前線  
国立研究開発法人 日本医療研究開発機構 (AMED) 協賛

**2S2-1** ナショナルバイオリソースプロジェクト (NBRP) の概要について  
8:50 ~ 9:10 Introduction of the National BioResource Project (NBRP)

○ 佐藤 清・鈴木 智広  
国立遺伝学研究所

**2S2-2** マメ科植物研究のためのミヤコグサ・ダイズバイオリソース  
9:10 ~ 9:13 NBRP Lotus and Glycine -Bioresource for legume plant research-

○ 橋口 正嗣<sup>1</sup>・佐藤 修正<sup>2</sup>・橋口 拓勇<sup>1</sup>・田中 秀典<sup>1</sup>・明石 良<sup>1</sup>  
宮崎大学農学部<sup>1</sup>・東北大学大学院生命科学研究科<sup>2</sup>

**2S2-3** スマート農業への布石 -ミヤコグサと根粒菌の共役データサイエンス-  
9:13 ~ 9:35 Symbiont-driven control of nodulation in *L. japonicus*-*M. loti* symbiosis

○ 植田 充美<sup>1,2,3</sup>・立上 陽平<sup>1</sup>・青木 航<sup>1,2,4</sup>  
京大院農応用生命<sup>1</sup>・京都バイオ計測センター<sup>2</sup>・CREST<sup>3</sup>・さきがけ<sup>4</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 2 (天樹)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S2-2 / Symposium S2-2

座長: 明石 良 (宮崎大学)  
橋口 正嗣 (宮崎大学)

**2S2-4** ナショナルバイオリソースプロジェクト酵母  
9:35 ~ 9:38 National BioResource Project -Yeast

○ 杉山 峰崇<sup>1</sup>・北村 憲司<sup>2</sup>・中村 太郎<sup>3</sup>  
大阪大学<sup>1</sup>・広島大学<sup>2</sup>・大阪市立大学<sup>3</sup>

**2S2-5** 代謝嗜好性やゲノム構造の異なる多様な酵母種間の比較プロテオーム解析  
9:38 ~ 10:00 Comparative Proteomics Among Budding Yeast Species with Distinct  
Metabolic Property and Genome Architecture

○ 紀藤 圭治  
明治大学 農学部

**2S2-6** ライフサイエンス用コムギ遺伝資源の整備  
10:00 ~ 10:03 NBRP-Wheat; wheat genetic resources to promote life sciences

○ 新田 みゆき・那須田 周平  
京都大学

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 2 (天樹)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S2-2 / Symposium S2-2

座長: 明石 良 (宮崎大学)

橋口 正嗣 (宮崎大学)

**2S2-7** コムギの種子貯蔵タンパク質グリアジンの包括的な解析  
10:03 ~ 10:25 Comprehensive analysis of gliadin proteins in common wheat

○ 川浦 香奈子

横浜市立大学木原生物学研究所

**2S2-8** 遺伝子機能の解明と疾患研究に貢献するマウスリソース整備  
10:25 ~ 10:28 Mouse resource infrastructure for studies of genome functions and disease mechanisms

吉木 淳・○ 綾部 信哉・池 郁生・仲柴 俊昭・平岩 典子・中田 初美・水野 沙織・  
持田 慶司・小倉 淳郎・小幡 裕一・城石 俊彦

理化学研究所バイオリソース研究センター

**2S2-9** 疾患モデルマウスにおける質量分析メタボローム解析が切り拓く新たな創薬  
10:28 ~ 10:50 の道筋

Innovation of model mouse analysis by metabolic profiling using mass spectrometry

○ 三枝 大輔

東北大学東北メディカル・メガバンク機構



7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 2 (天樹)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S2-3 / Symposium S2-3

座長: 城野 博史 (熊本大病院薬)

大山 要 (長崎大学薬)

臨床志向型プロテオーム研究の実践  
日本臨床化学会共催

**2S3-1** アミロイドーシス病型診断におけるプロテオーム解析の実践  
16:00 ~ 16:25 Practical use of Clinical Proteomic Analysis for Diagnosing types of Amyloidosis

○ 城野 博史<sup>1</sup>・田崎 雅義<sup>2</sup>・山下 太郎<sup>3</sup>・大林 光念<sup>2</sup>・安東 由喜雄<sup>4</sup>  
熊本大学病院薬剤部<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部構造機能解析学講座<sup>2</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部脳神経内科学講座<sup>3</sup>・長崎国際大学アミロイドーシス病態解析学分野<sup>4</sup>

**2S3-2** 質量分析を用いた新規アミロイド原因蛋白質の同定  
16:25 ~ 16:50 A novel mass spectrometric method for detecting various amyloidosis include unclassifiable disease

○ 田崎 雅義<sup>1,2</sup>・大林 光念<sup>1</sup>・安東 由喜雄<sup>3</sup>  
熊本大学大学院生命科学研究部構造機能解析学講座<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部脳神経内科学講座<sup>2</sup>・長崎国際大学アミロイドーシス病態解析学分野<sup>3</sup>

**2S3-3** 抗体医薬品のプロテオーム研究  
16:50 ~ 17:15 Proteomic Analysis of Therapeutic Antibody

○ 米澤 淳<sup>1,2</sup>  
京都大学大学院薬学研究科<sup>1</sup>・京都大学医学部附属病院薬剤部<sup>2</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 2 (天樹)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S2-3 / Symposium S2-3

座長: 城野 博史 (熊本大病院薬)

大山 要 (長崎大学薬)

**2S3-4** 免疫複合体の網羅的解析による免疫的反応点の探索  
17:15 ~ 17:40 Identification of immunological reaction points by comprehensive analysis of immune complexes

○ 大山 要

長崎大学生命医科学域(薬学系)

**2S3-5 (P41A)** 定量プロテオーム解析による骨粗鬆症の血清バイオマーカー探索  
17:40 ~ 17:50 Quantitative proteomic analysis of potential serum biomarker for osteoporosis

○ 中居 佑介<sup>1</sup>・木村 鮎子<sup>1</sup>・森山 佳谷乃<sup>1</sup>・香川 裕之<sup>1</sup>・井野 洋子<sup>1</sup>・熊谷 研<sup>2</sup>・齋藤 知行<sup>3</sup>・木村 弥生<sup>1</sup>・平野 久<sup>1</sup>

横浜市立大学先端医科学研究センター<sup>1</sup>・横浜市立大学医学部整形外科<sup>2</sup>・横浜市立脳卒中・神経脊椎センター<sup>3</sup>

**2S3-6 (P42B)** 同一患者から採取された化学療法前後の大腸癌肝転移巣を用いたプロテオミクス・リン酸化プロテオミクス解析による化学療法耐性メカニズムの解明  
17:50 ~ 18:00

Quantitative proteomic analysis of colorectal cancer liver metastases resistant to postoperative adjuvant chemotherapy

○ 軍司 大悟<sup>1,2</sup>・阿部 雄一<sup>1,4</sup>・足立 淳<sup>1</sup>・長山 聡<sup>3</sup>・坂井 義治<sup>2</sup>・朝長 毅<sup>1</sup>

医薬基盤・健康・栄養研究所<sup>1</sup>・京都大学大学院医学研究科 消化管外科<sup>2</sup>・がん研究会 有明病院消化管センター大腸外科<sup>3</sup>・愛知県がんセンター 分子診断トランスレーショナルリサーチ分野<sup>4</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 3 (天葉)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S2-4 / Symposium S2-4

座長: 木下 英司 (広島大学)

杉山 康憲 (香川大学)

### どげんかせんといかん、Phos-tag !

- 2S4-1** Phos-tag を用いたリン酸化タンパク質の解析法  
16:00 ~ 16:20 Protein Phosphorylation Analysis Using Phos-tag-based Techniques
- 木下 恵美子  
広島大学大学院医系科学研究科
- 2S4-2** Phos-tag SDS-PAGEを利用した簡便なcyclin-dependent kinase-like 5の  
16:20 ~ 16:40 活性検出法の開発とその利用  
Development and application of simple method for cyclin-dependent kinase-like 5 activity using Phos-tag SDS-PAGE.
- 片山 将一  
立命館大学・薬学部
- 2S4-3** Phos-tagと質量分析によるリン酸化シグナル伝達機構の解明  
16:40 ~ 17:00 Elucidation of Phospho-Signaling Mechanisms using Phos-tag and Mass Spectrometry
- 小迫 英尊  
徳島大学 先端酵素学研究所 藤井節郎記念医科学センター

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 3 (天葉)

16:00 ~ 18:00

シンポジウム S2-4 / Symposium S2-4

座長: 木下 英司 (広島大学)

杉山 康憲 (香川大学)

**2S4-4** Phos-tag解析から見えてきた新しいEGFR活性化機構

17:00 ~ 17:20 A new mechanism of EGFR activation based on Phos-tag analysis

○ 櫻井 宏明・田中 智大・周 越

富山大学大学院医学薬学研究部(薬学)

**2S4-5** HP1のリン酸化はヌクレオソームへの結合特異性を制御する

17:20 ~ 17:40 Phosphorylation of HP1 controls its nucleosome-binding specificity

西淵 剛平<sup>1</sup>・川口 隆之<sup>1,2</sup>・田中 万葉<sup>2</sup>・田上 英明<sup>1</sup>・○ 中山 潤一<sup>1,2</sup>

名古屋市立大学<sup>1</sup>・基礎生物学研究所<sup>2</sup>

**2S4-6** Phos-tagと電子移動解離タンデム質量分析法によるリン酸化ペプチドの配  
列解析

17:40 ~ 18:00

Sequencing of Phosphopeptides by Electron Transfer Dissociation  
Mass Spectrometry Using Phos-tag

○ 浅川 大樹

産業技術総合研究所

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-1 / Symposium S3-1

座長: 小林 大樹 (熊本大学)

## オミクスデータ解析を支えるインフォマティクス

**3S1-1** インフォマティクスに支えられるプロテオーム解析  
8:50 ~ 9:05 Proteome analysis supported by informatics

○ 小林 大樹・荒木 令江  
熊本大院・生命科学・腫瘍医学講座

**3S1-2** Precision medicineを目指すがんゲノムインフォマティクス  
9:05 ~ 9:30 Cancer Genome Informatics toward Realizing Precision Medicine

○ 奥田 修二郎  
新潟大学

**3S1-3** ChIP-Atlas: 既報ChIP-seqデータの統合データベース  
9:30 ~ 9:55 ChIP-Atlas: a data-mining suite powered by full integration of public ChIP-seq data

○ 沖 真弥  
九州大学大学院 医学研究院

**3S1-4** 1細胞トランスクリプトーム解析のバイオインフォマティクス  
9:55 ~ 10:20 Bioinformatics for single-cell transcriptome analysis

○ 尾崎 遼<sup>1,2</sup>  
筑波大学医学医療系<sup>1</sup>・筑波大学人工知能科学センター<sup>2</sup>

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-1 / Symposium S3-1

座長: 小林 大樹 (熊本大学)

**3S1-5 (P69A)** 発達期におけるシナプス後肥厚のリモデリング  
10:20 ~ 10:30 Remodeling of postsynaptic density (PSD) during development

○ 貝塚 剛志<sup>1</sup>・鈴木 健裕<sup>2</sup>・堂前 直<sup>2</sup>・内匠 透<sup>1</sup>  
理化学研究所 脳神経科学研究センター 精神生物学研究チーム1・理化学研究所 環境  
資源科学研究センター 生命分子解析ユニット<sup>2</sup>

**3S1-6 (P71C)** 定量的リン酸化プロテオミクスを用いたキノーム活性解析  
10:30 ~ 10:40 Kinome Activity Analysis Based on Quantitative Phosphoproteomics

○ 吉川 侑樹・杉山 直幸・石濱 泰  
京都大学大学院薬学研究科

**3S1-7 (P72D)** プロテオーム、メタボローム、トランスクリプトームなどのマルチオミクスデータ  
10:40 ~ 10:50 を用いた疾患メカニズム解析  
Analysis of mechanisms of disease by multi-omics data using  
KeyMolnet, an integration platform for biological information.

○ 谷口 理恵・重高 美紀・井上 陽子・岩崎 奈可子・太田 美枝子・増野 和子・宮原  
静・重高 誠  
株式会社KM データ

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 2 (天樹)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-2 / Symposium S3-2

座長: 馬場 健史 (九州大学)

### 1細胞解析技術の新展開

日本生物工学会: バイオ計測サイエンス研究部会共催

**3S2-1** 細胞形態情報解析を用いた1細胞~細胞集団の応答性の解析  
8:50 ~ 9:15 Image-based Morphometric Analysis for Evaluation of Cellular Responses

○ 加藤 竜司<sup>1,2</sup>

名古屋大学大学院創薬科学研究科<sup>1</sup>・名古屋大学未来社会創造機構ナノライフシステム研究所<sup>2</sup>

**3S2-2** 1細胞オルガネラメタボロミクス実現に向けた試料採取・解析技術の開発  
9:15 ~ 9:40 Development of sampling and analytical method for single cell organelle metabolomics

○ 水野 初<sup>1</sup>・津山 尚宏<sup>2</sup>・轟木 堅一郎<sup>1</sup>・工藤 忍<sup>3</sup>

静岡県立大学<sup>1</sup>・福島県立医大<sup>2</sup>・横河電機<sup>3</sup>

**3S2-3** シングルセル分子フェノタイプ解析に向けた基盤技術の創生  
9:40 ~ 10:05 Mass spectrometry-based molecular and phenotypic analysis at single-cell resolution

○ 和泉 自泰<sup>1</sup>・松本 雅記<sup>1</sup>・山村 昌平<sup>2</sup>・馬場 健史<sup>1</sup>

九州大学生体防御医学研究所<sup>1</sup>・産総研健康工学<sup>2</sup>

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 2 (天樹)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-2 / Symposium S3-2

座長: 馬場 健史 (九州大学)

**3S2-4** 希少細胞を対象としたシングルセル遺伝子解析技術の確立と応用展開  
10:05 ~ 10:30 Development and application of single-cell genetic analysis system for rare circulating cell

○ 吉野 知子・根岸 諒

東京農工大学 大学院工学研究院 生命機能科学部門

**3S2-5 (P75C)** 1細胞プロテオミクスを目指した油中液滴法による微量タンパク質前処理技術の開発  
10:30 ~ 10:40

Improvement of Peptide Recovery in Small-Scale Sample Preparation by Water Droplet in Oil

○ 稲森 悠真<sup>1</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>

熊本大学大学院薬学教育部<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>

**3S2-6 (P76D)** 次世代メタボローム分析法: 親水性相互作用/陰イオン交換クロマトグラフィー・タンデム質量分析の開発  
10:40 ~ 10:50

A novel analytical method for large-scale metabolomic analysis by unified HILIC/AEX/MS/MS

○ 中谷 航太<sup>1</sup>・和泉 自泰<sup>1</sup>・高橋 政友<sup>1</sup>・櫻井 恵太<sup>2</sup>・佛願 道男<sup>2</sup>・馬場 健史<sup>1</sup>

九州大学生体防御医学研究所<sup>1</sup>・日立化成テクノサービス株式会社<sup>2</sup>



7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 3 (天葉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-3 / Symposium S3-3

座長: 近藤 格 (国立がん研究センター)

## ゲノム医学の時代のがん研究に有用な電気泳動法とその関連技術

**3S3-1** 肉腫の臨床に役立つバイオマーカー開発を目指したプロテオーム解析  
8:50 ~ 9:10 Proteomic analysis for the development of useful biomarkers for the clinical practice of sarcoma

○ 菊田 一貴  
栃木県立がんセンター骨軟部腫瘍・整形外科

**3S3-2** 粘性糖タンパク質ムチンの解析: 分子マトリックス電気泳動と糖鎖解析法の  
9:10 ~ 9:30 ブレークスルー  
Analysis of viscous glycoprotein mucins: SMME and a breakthrough of glycan analysis

○ 亀山 昭彦  
国立研究開発法人産業技術総合研究所 創薬基盤研究部門

**3S3-3** Diced electrophoresis gel法を用いたがんにおけるペプチド代謝活性異常  
9:30 ~ 9:50 の網羅的解析  
Global analysis of peptide metabolizing enzymatic activities using diced electrophoresis gel assay

○ 小松 徹<sup>1</sup>・浦野 泰照<sup>1,2,3</sup>  
東京大学大学院薬学系研究科<sup>1</sup>・東京大学大学院薬学系研究科<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>

7月26日(金曜日) July 26 (Fri)

会場 3 (天葉)

8:50 ~ 10:50

シンポジウム S3-3 / Symposium S3-3

座長: 近藤 格 (国立がん研究センター)

**3S3-4** 二次元電気泳動法を利用した腫瘍マーカーの獲得について  
9:50 ~ 10:10 Acquisition of tumor markers using two-dimensional gel electrophoresis

○ 長塩 亮<sup>1,2</sup>

北里大学医療衛生学部臨床検査学<sup>1</sup>・北里大学大学院医療系研究科応用腫瘍病理学<sup>2</sup>

**3S3-5** In-depth proteomics profiling of ovarian cancer ascites-derived tumor cells for therapeutic target discovery  
10:10 ~ 10:30

○ 小林 信・片山 博之・Xu Hanwen・Vykoukal V. Jody・Fahrman Francois Johannes・Kundnani L. Deepali・Wang Hong・Celestino Joseph・Liu Jinsong・Lu H. Karen Hanash M. Samir

The University of Texas M.D. Anderson Cancer Center

**3S3-6** 次世代シーケンスデータからMass spectrometry検索用データベースを生成するソフトウェアMutated Nucleotide and Amino-acid sequence Generator (MuNAGe)の開発  
10:30 ~ 10:50

Development of software MuNAGe which generates databases for mass spectrometry search from NGS data

○ 服部 恵美<sup>1,2</sup>・小山 理恵子<sup>3</sup>・紀藤 房子<sup>3</sup>・小迫 英尊<sup>4</sup>・市川 仁<sup>5</sup>・吉田 朗彦<sup>6</sup>・川井 章<sup>7</sup>・尾崎 遼<sup>8,9</sup>・近藤 格<sup>1,3</sup>

国立がん研究センター研究所希少がん研究分野<sup>1</sup>・筑波大学大学院人間総合科学研究科生命システム医学専攻<sup>2</sup>・国立がん研究センター研究所創薬標的・シーズ評価部門<sup>3</sup>・徳島大学先端酵素学研究所藤井節郎記念医科学センター細胞情報学分野<sup>4</sup>・国立がん研究センター研究所臨床ゲノム解析部門<sup>5</sup>・国立がん研究センター中央病院病理科<sup>6</sup>・国立がん研究センター中央病院骨軟部腫瘍・リハビリテーション科<sup>7</sup>・筑波大学医学医療系生命医科学域<sup>8</sup>・筑波大学人工知能科学センター<sup>9</sup>

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 3 (天葉)

14:40 ~ 16:40

シンポジウム S3-4 / Symposium S3-4

座長: 井本 真由美 (近畿大学病院)

山田 俊幸 (自治医科大学)

### 電気泳動技術の臨床検査への貢献

#### **3S4-1** 電気泳動検査の臨床へのインパクト

14:40 ~ 15:00 Impact of electrophoresis-based laboratory tests in clinical practice

○ 山田 俊幸

自治医科大学臨床検査医学

#### **3S4-2** 電気泳動法を用いた臨床検査についてーアイソザイムを中心にー

15:00 ~ 15:20 The electrophoresis method being used in clinical examination -  
Focusing on isozymes

○ 中里 功

株式会社ヘレナ研究所

#### **3S4-3** キャピラリー電気泳動による血清蛋白分画

15:20 ~ 15:40 Serum Protein Electrophoresis on Capillary Electrophoresis

○ 老沼 弘俊

フィンガルリンク株式会社 IVD 事業部

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 3 (天葉)

14:40 ~ 16:40

シンポジウム S3-4 / Symposium S3-4

座長: 井本 真由美 (近畿大学病院)

山田 俊幸 (自治医科大学)

**3S4-4** 蛋白分画のセア膜からアガロースゲルへの移行の経験

15:40 ~ 16:00 Experience of transfer of protein fraction from cellulose acetate membrane to agarose gel

○ 青木 絵美<sup>1</sup>・堀井 康司<sup>1</sup>・菊池 春人<sup>2</sup>

慶應義塾大学病院臨床検査科<sup>1</sup>・慶應義塾大学医学部臨床検査医学<sup>2</sup>

**3S4-5** 日常検査をもとに医師へ血清蛋白分画検査を勧める仕組み  
—M蛋白、IgG4高値の検出を目的として—

16:00 ~ 16:20

The advice system for recommendation of serum protein electrophoresis based on the routine laboratory tests

○ 松村 充子・松尾 収二

公益財団法人 天理よろづ相談所病院

**3S4-6** M蛋白検査のピットホール —偽低値IgMの解析—

16:20 ~ 16:40 Pit hole of M protein examination -Analysis of a false low value for IgM-

○ 井本 真由美<sup>1,2</sup>・山田 俊幸<sup>2</sup>・中江 健市<sup>1</sup>・山口 逸弘<sup>1</sup>・上裕 俊法<sup>3</sup>

近畿大学病院 中央臨床検査部<sup>1</sup>・自治医科大学 臨床検査医学<sup>2</sup>・近畿大学 臨床検査医学<sup>3</sup>

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 4 (クリスタル)

13:40 ~ 15:40

ワークショップ WS1 / Workshop WS1

座長: 井田 隆徳 (宮崎大学)

宮崎から世界へ羽ばたくペプチドホルモン研究  
ペプチド・ホルモン研究会共催

**1WS1-1** ペプチドホルモンの探索  
13:40 ~ 14:00 Searching for peptide hormones

○ 井田 隆徳  
フロンティア科学実験総合センター・宮崎大学

**1WS1-2** ペプチドホルモンの生理機能の解明  
14:00 ~ 14:20 Elucidation of new physiological functions by peptide hormones

○ 佐藤 貴弘・児島 将康  
久留米大学・分子生命科学研究所

**1WS1-3** 健康体質を規定するホルモンミリュー  
14:20 ~ 14:40 Hormonal Milieu that Defines Health Status

○ 根本 崇宏  
日本医科大学生理学(生体統御学)

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 4 (クリスタル)

13:40 ~ 15:40

ワークショップ WS1 / Workshop WS1

座長: 井田 隆徳 (宮崎大学)

**1WS1-4** ペプチドホルモンからステロイド研究への展開

14:40 ~ 15:00 Development of Research from Peptide Hormones to Steroid Hormones

○ 矢澤 隆志<sup>1</sup>・今道 力敬<sup>2</sup>・宇和田 淳介<sup>1</sup>・谷口 隆信<sup>1</sup>  
旭川医大・生化学・細胞制御科学<sup>1</sup>・旭川医大・薬理学<sup>2</sup>

**1WS1-5** ペプチドホルモンの臨床展開

15:00 ~ 15:20 From Bench to Bedside

○ 永田 さやか・山崎 基生・北村 和雄  
宮崎大学 医学部 内科学講座 循環体液制御学分野

15:20 ~ 15:40 総合討論

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 4 (クリスタル)

16:00 ~ 18:00

ワークショップ WS2 / Workshop WS2

座長: 幡野 敦 (理化学研究所)

岩崎 未央 (京都大学)

定量精度の高いプロテオミクスを実現する！  
— 定量精度・同定の深さ・同定の再現性 —

16:00 ~ 16:05 ワークショップの主旨説明

○ 岩崎未央

Center for iPS Cell Research and Application, Kyoto University

**1WS2-1** Pros and cons of isobaric tag-based proteome quantification

16:05 ~ 16:26

○ 岩崎 未央<sup>1</sup>・田畑 剛<sup>1</sup>・川原 優香<sup>1</sup>・石濱 泰<sup>2</sup>・中川 誠人<sup>1</sup>

Center for iPS Cell Research and Application, Kyoto University<sup>1</sup>・Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Kyoto University<sup>2</sup>

**1WS2-2** SILAC 定量 - Pros & Cons

16:26 ~ 16:47 SILAC - Pros & Cons

○ 今見 考志

京都大学大学院薬学研究科

**1WS2-3** 定量プロテオミクスによる代謝酵素タンパク質定量分析

16:47 ~ 17:08 Targeted proteomics of enzyme proteins using MRM assay methods

○ 松田 史生

大阪大学大学院情報科学研究科

7 月 24 日 (水曜日) July 24 (Wed)

会場 4 (クリスタル)

16:00 ~ 18:00

ワークショップ WS2 / Workshop WS2

座長: 幡野 敦 (理化学研究所)

岩崎 未央 (京都大学)

**1WS2-4** 安い! 簡単! 一周回って有用なラベルフリー定量  
17:08 ~ 17:29 Cheap and Easy\_Revival of Label Free Quantification.

○ 足達 俊吾・草野 秀夫・西村 久美子・穂本 真佐江・夏目 徹  
産業技術総合研究所 創薬分子プロファイリング研究センター (molprof)

**1WS2-5** Data-independent acquisitionによる定量プロテオミクス  
17:29 ~ 17:50 Data-independent acquisition: a new approach for quantitative proteomics

○ 幡野 敦・柚木 克之  
YCI Laboratory for Trans-Omics, RIKEN Center for Integrative Medical Science

17:50 ~ 18:00 定量プロテオミクス技術のまとめと今後の展望

○ 幡野 敦  
YCI Laboratory for Trans-Omics, RIKEN Center for Integrative Medical Science



7 月 25 日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 4 (クリスタル)

8:50 ~ 10:50

ワークショップ WS3 / Workshop WS3

座長: 和田 啓 (宮崎大学)

平林 佳 (東京理科大学)

### 構造生物学の将来展望: タンパク質立体構造の決定方法の基礎と最新事例

**2WS3-1** X線結晶構造解析のメリット・デメリット: 植物ホルモン情報伝達系の構造基盤と制御薬剤の開発  
8:50 ~ 9:10

Structural Basis for the Regulatory Mechanism of Strigolactone Signaling by Novel Chemical Compounds

○ 平林 佳  
東京理科大学

**2WS3-2** 創薬標的蛋白質のPX—BioSAXS相関構造解析の現状と今後の展望  
9:10 ~ 9:35  
Structural study using combination of PX and Bio-SAXS; its usefulness, problem and future perspective for SBDD

○ 藤間 祥子  
奈良先端科学技術大学院大学先端科学技術研究科

**2WS3-3** 酵素の精密構造解析: 抗がん剤標的分子の基質認識における水素原子の役割  
9:35 ~ 10:00

Structure analysis of an enzyme at high resolution: Role of hydrogen atoms in substrate recognition of an anticancer target

○ 中村 照也  
熊本大学大学院先導機構

7 月 25 日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 4 (クリスタル)

8:50 ~ 10:50

ワークショップ WS3 / Workshop WS3

座長: 和田 啓 (宮崎大学)

平林 佳 (東京理科大学)

**2WS3-4** X線自由電子レーザーを応用したタンパク質の動的結晶構造解析  
10:00 ~ 10:25 Tracking protein motions by XFEL crystallography

○ 溝端 栄一<sup>1,2</sup>

Osaka University<sup>1</sup>, JST-PRESTO<sup>2</sup>

**2WS3-5** 単粒子解析の原理と実際: KEKにおける共同利用型クライオ電子顕微鏡の  
10:25 ~ 10:50 立ち上げを例として  
Case studies of single particle analyses in KEK

○ 安達 成彦

SBRC, IMSS, KEK

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 4 (クリスタル)

16:00 ~ 18:00

ワークショップ WS4 / Workshop WS4

座長: 松本 雅記 (九州大学)

武森 信暁 (愛媛大学)

## 定量プロテオミクスにおける内部標準の生合成技術戦略

**2WS4-1** 高度多重化内部標準タンパク質による絶対定量プロテオミクス  
16:00 ~ 16:15 Highly multiplexed artificial standard proteins for protein absolute quantification

○ 松本 雅記

Medical Institute of Bioregulation, Kyushu University

**2WS4-2** 無細胞タンパク質合成システムによって作製した内部標準ペプチドのターゲットプロテオミクスへの利用  
16:15 ~ 16:35

Application of internal standard peptides generated by cell-free synthesis to target proteomics

○ 鳴海 良平<sup>1</sup>・益田 恵子<sup>2</sup>・笠原 桂子<sup>1,3</sup>・朝長 毅<sup>1</sup>・足立 淳<sup>1</sup>・清水 義宏<sup>2</sup>

医薬基盤・栄養・健康研究所プロテオームリサーチプロジェクト<sup>1</sup>・理化学研究所生命機能科学研究センター無細胞タンパク質合成研究チーム<sup>2</sup>・京都大学大学院医学研究科 消化管外科<sup>3</sup>

**2WS4-3** 新規血清ペプチドバイオマーカーの臨床応用を目指してー内部標準を用いた質量分析による定量法の開発ー  
16:35 ~ 16:55

Clinical Application of Novel Serum Peptide Biomarkers - Development of Mass Spectrometry-Based Quantification Using Internal Standards -

○ 黒川 真奈絵

聖マリアンナ医科大学大学院 疾患バイオマーカー・標的分子制御学

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 4 (クリスタル)

16:00 ~ 18:00

ワークショップ WS4 / Workshop WS4

座長: 松本 雅記 (九州大学)  
武森 信暁 (愛媛大学)

**2WS4-4 (P89A)** 内部標準による高精度・高感度定量解析に向けたアプローチ  
16:55 ~ 17:10 An Approach Toward Quantitative Proteomics with High Accuracy and Sensitivity Using Internal Standards

○ 三宅 賢治・佐竹 航平・紀藤 圭治  
明治大学・農学部

**2WS4-5** 内部標準ペプチドデザインは自由自在～人工遺伝子合成～  
17:10 ~ 17:30 Flexible standard peptide design by Gene Synthesis

○ 尾形 直久  
ユーロフィンジェノミクス株式会社

**2WS4-6** 包括的プロテオーム定量のためのQconCAT合成パイプライン  
17:30 ~ 17:50 MEERCAT: A QconCAT biosynthesis pipeline for global proteomics quantification

○ 武森 信暁  
愛媛大学

17:50 ~ 18:00 総合討論

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 1 (蘭玉)

12:00 ~ 13:00

ランチオンセミナー 2L-1 / Luncheon Seminar 2L-2

### サーモフィッシャーサイエンティフィック

#### 2L-1 Enhancing Proteomics Research: Orbitrap Fusion Lumos with FAIMS Pro Interface

○ 高原 健太郎

サーモフィッシャーサイエンティフィック株式会社

会場 2 (天樹)

12:00 ~ 13:00

ランチオンセミナー 2L-2 / Luncheon Seminar 2L-2

### 島津製作所

#### 2L-2 多重反応モニタリング(MRM)法を用いた老化蛋白質中のD-アミノ酸分析

○ 藤井 紀子<sup>1</sup>・高田匠<sup>1</sup>・金仁求<sup>1</sup>・松原 稔哉<sup>2</sup>

京都大学複合原子力科学研究所<sup>1</sup>・島津製作所<sup>2</sup>

7 月 25日 (木曜日) July 25 (Thu)

会場 3 (天葉)

12:00 ~ 13:00

ランチョンセミナー 2L-3 / Luncheon Seminar 2L-3

## エーエムアール

**2L-3** キャリーオーバーのない多検体プロテオミクスを可能にするハイスループット  
ナノHPLC EVOSEP ONEの技術およびアプリケーションの紹介

Novel nanoHPLC technology which enables high throughput clinical  
proteomics without carry over: Mechanism and Application

○ Erik Verschuuren

EVOSEP

7 月 26日 (金曜日) July 26 (Fri)

会場 1 (蘭玉)

11:45 ~ 12:45

ランチョンセミナー 3L-1 / Luncheon Seminar 3L-1

## エービー・サイエックス

### 3L-1 SWATH® Acquisition を応用した呼吸器腫瘍の分子標的探索

○ 柳澤 聖  
名城大学 薬学系研究科

会場 2 (天樹)

11:45 ~ 12:45

ランチョンセミナー 3L-2/3 / Luncheon Seminar 3L-2/3

## ブルカー・ジャパン

### 3L-2 PASEF によるショットガンプロテオミクス

○ 瀧浪 欣彦  
ブルカー・ジャパン株式会社

### 3L-3 イオンモビリティ分離により加速する高深度ヒトプロテオーム解析

○ 小形 公亮  
京都大学大学院

**P1A** QconCAT法によるトマト腺状トライコームの定量プロテオミクス  
**(1S1-5)** Quantitative proteomics of tomato glandular trichomes using QconCAT

○ 武森 文子・野並 浩・武森 信暁  
愛媛大学

**P2B** バイオマーカータンパク質定量による食品機能予測システムの確立  
**(1S1-6)** Establishment of a Model System for Estimating Multiple Functions of Food Components Based on the Quantitative Analysis of Biomarker Proteins

○ 大田 輝・黒木 勝久・永濱 清子・水光 正仁・榊原 陽一  
宮崎大学 大学院 農学研究科

**P3C** 毛構成タンパク質による毛皮種の鑑別  
Identification method for Animal Furs with a protein component of animal hair

○ 関本 有莉<sup>1</sup>・東海 有沙<sup>1</sup>・有瀧 宗重<sup>1</sup>・安藤 健<sup>1</sup>・増田 豪<sup>2</sup>  
一般財団法人ニッセンケン品質評価センター<sup>1</sup>・熊本大学<sup>2</sup>

**P4D** プロテオーム解析によるポプラ分化中木部におけるコニフェリン輸送体候補の絞り込み  
Proteomics Analysis to Select Candidates of a Coniferin Transporter in Differentiating Xylem of Poplar

○ 津山 濯<sup>1</sup>・榊原 陽一<sup>1</sup>・矢崎 一史<sup>2</sup>・高部 圭司<sup>3</sup>・亀井 一郎<sup>1</sup>  
宮崎大学農学部<sup>1</sup>・京都大学生存圏研究所<sup>2</sup>・京都大学大学院農学研究科<sup>3</sup>

**P5A** 水中拘束ストレスマウスの大脳皮質を対象とした包括的なタンパク質存在様式の比較  
**(1S2-5)** 分析

Comparative analysis of post-translational modifications including proteolysis of proteins in mouse cerebral cortex under the restraint water stress

○ 紺野 亮<sup>1</sup>・伊藤 大晃<sup>1</sup>・樋口 雅崇<sup>1</sup>・松井 崇<sup>1</sup>・佐藤 俊哉<sup>2</sup>・板倉 誠<sup>3</sup>・小寺 義男<sup>1,4</sup>  
北里大学理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学 医学部 実験 動物学<sup>2</sup>・北里大学医学部生化学<sup>3</sup>・北里大学理学部附属疾患プロテオミクスセンター<sup>4</sup>



**P6B** リン酸化タンパク質選択的な電気泳動ゲル蛍光染色法  
**(1S2-6)** Phosphoprotein Gel Stain by Fluorophore-labeled Phos-tag Derivatives

○ 草本 寛・木下 恵美子・木下 英司・小池 透  
広島大学大学院 医歯薬保健学研究科 医薬分子機能科学研究室

**P7C** アガロース二次元電気泳動法による節足動物筋肉の比較プロテオーム解析  
Comparative Proteome Analysis of Muscles from Various Arthropod Species by  
Agarose Two-dimensional Gel Electrophoresis

安藤 凌汰・中村 達矢・○ 大石 正道  
北里大学理学部

**P8D** 非変性条件アガロースゲル電気泳動法とコンゴレッドによるアミロイドβ凝集体の分離分析法の構築

Separation of amyloid beta fibrils after by a combination of the non-denaturing agarose electrophoresis and the congo red dye

○ 島崎 洋次・川野 莉沙・足利 諒・座古 保  
愛媛大学

**P9A** 定量プロテオミクスの感度および定量性向上を目指した新規相間移動溶解法の開発  
**(2S1-3)** Optimization of Phase Transfer Surfactant Cocktail for Quantitative Proteomics

○ 古川 亜里朱<sup>1</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・稲森 悠真<sup>1</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>  
熊本大学大学院薬学教育部<sup>1</sup>・熊本 大学大学院 生命科学研究部<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>

**P10B** サイズ排除クロマトグラフィーによるリボソームの分離と細胞内全タンパク質複合体の網羅的解析に向けて  
**(2S1-4)**

Towards the comprehensive characterisation of cellular protein complexes by Size Exclusion Chromatography

○ 吉川 治孝・Lamond Angus  
ダンディー 大学

**P11C** Analysis of secretome in serum-containing medium by BONCAT

○ Shin Jihye<sup>1</sup>・木村 弥生<sup>1</sup>・平野 久<sup>1,2</sup>・Lee Cheolju<sup>3</sup>・梁 明秀<sup>4</sup>

Advanced Medical Research Center, Yokohama City University<sup>1</sup>・Gunma Paz University<sup>2</sup>・Korea Institute of Science and Technology<sup>3</sup>・Dept. of Microbiology, Yokohama City University School of Medicine<sup>4</sup>

**P12D** マイクロ波照射下での蛋白質の加水分解によるペプチド生成  
Peptide Formation by Protein Hydrolysis Reaction under Microwave Irradiation

○ 馬場 龍之介<sup>1</sup>・大内 将吉<sup>1</sup>・吉村 武朗<sup>2</sup>・児玉 亮<sup>3</sup>

九州工業大学<sup>1</sup>・SAIDA FDS<sup>2</sup>・ベゼル<sup>3</sup>

**P13A** 新規ラベル化プロテオミクス技術による創薬ターゲット探索技術の開発  
**(2S1-5)** Target discovery method for development of antibody drugs using original labeling proteomics technology

○ 鎌田 春彦<sup>1</sup>・中山 泰亮<sup>1</sup>・秋葉 宏樹<sup>1</sup>・津本 浩平<sup>1,2</sup>・西村 翔太<sup>1,3</sup>・井上 豪<sup>1,3</sup>

医薬基盤・健康・栄養研究所<sup>1</sup>・東京大学<sup>2</sup>・大阪大学<sup>3</sup>

**P14B** 新生鎖大規模解析のためのピューロマイシン標識ペプチド濃縮法の開発  
Enrichment of puromycin-labeled peptides for large-scale analysis of nascent polypeptide chains

○ 内山 純貴・今見 考志・杉山 直幸・石濱 泰

京都大学大学院薬学研究科

**P15C** 定量的リン酸化プロテオミクスによるmTORC1下流の新規がん促進シグナルの解析  
Quantitative Phosphoproteomics Revealed a Novel mTORC1-FOXK1-CCL2 Axis for Cancer Progression

○ 中津海 洋一<sup>1</sup>・松本 雅記<sup>2</sup>・白根 道子<sup>1</sup>・中山 敬一<sup>2</sup>

名古屋市立大学<sup>1</sup>・九州大学<sup>2</sup>

**P16D** 糖鎖プロファイリングの全自動化の試み

Realization of our dream: toward full-automatic glycomic profiling

島崎 裕子<sup>1</sup>・齋藤 こずえ<sup>1</sup>・松田 厚志<sup>1</sup>・澤上 一美<sup>2</sup>・刈屋 実<sup>2</sup>・瀬川 修<sup>2</sup>・宮下 雪子<sup>2</sup>・上田 哲也<sup>2</sup>・小飯塚 道典<sup>2</sup>・中村 和博<sup>2</sup>・田島 秀二<sup>2</sup>・○久野 敦<sup>1</sup>

Biotechnology Research Institute for Drug Discovery, National Institute of Advanced Industrial Science and Technology<sup>1</sup>・Precision System Science<sup>2</sup>

**P17A** Glyco-RIDGE部位特異的糖鎖組成分析システムの改良

Improvement of glycoprotein site-specific glycan analysis system using Glyco-RIDGE method

○梶 裕之<sup>1</sup>・富岡 あづさ<sup>1</sup>・助川 昌子<sup>1</sup>・藤田 弥佳<sup>1</sup>・岡谷 千晶<sup>1</sup>・洪 繁<sup>2</sup>・合田 徳夫<sup>2</sup>・高倉 大輔<sup>3</sup>・宮崎 美知代<sup>3</sup>

産業技術総合研究所<sup>1</sup>・慶應義塾大学<sup>2</sup>・バイオインダストリー協会<sup>3</sup>

**P18B** 新規キナーゼ基質同定法の開発と変異型基質リン酸化シグナル解析への応用

Development of novel method for identifying kinase endogenous substrates and application to mutant substrates analysis

○新苗 智也・今見 考志・Tsai Chia-Feng・杉山 直幸・石濱 泰  
京都大学薬学研究科

**P19C** 蛋白-蛋白間相互作用技術の開発 -HaloTagを用いたNAPPAとバーコーディング技術-

Development of protein-protein interaction profiling technology HaloTag-NAPPA and HaloTag-based barcoding

○矢崎 潤史<sup>1</sup>・川島 祐介<sup>1</sup>・小川 泰策<sup>2</sup>・小林 敦夫<sup>1</sup>・大越 麻友<sup>1</sup>・渡辺 貴志<sup>1</sup>・吉田 優<sup>3</sup>・喜井 勲<sup>4</sup>・江上 将平<sup>5,6</sup>・天谷 雅行<sup>5,6</sup>・細谷 孝充<sup>3,7</sup>・城口 克行<sup>2,8,9</sup>・小原 收<sup>1</sup>

Laboratory for Integrative Genomics, RIKEN<sup>1</sup>・Laboratory for Prediction of Cell Systems Dynamics, RIKEN Center for Biosystems Dynamics Research<sup>2</sup>・Laboratory of Chemical Bioscience, Institute of Biomaterials and Bioengineering, Tokyo Medical and Dental University<sup>3</sup>・Common Facilities Unit, Compass to Healthy Life Research Complex Program, RIKEN Cluster for Science, Technology and Innovation Hub<sup>4</sup>・Laboratory for Skin Homeostasis, RIKEN Center for Integrative Medical Sciences<sup>5</sup>・Department of Dermatology, Keio University School of Medicine<sup>6</sup>・Laboratory for Chemical Biology, RIKEN Center for Biosystems Dynamics Research<sup>7</sup>・Laboratory for Immunogenetics, RIKEN Center for Integrative Medical Sciences<sup>8</sup>・JST PRESTO<sup>9</sup>

- P20D** 2万8千年前のケナガマンモス組織から得られたタンパク質の翻訳後修飾の解析  
Comprehensive analysis of post-translational modifications on the proteins from a 28, 000-year-old woolly mammoth
- 西端 智也<sup>1</sup>・永井 宏平<sup>1</sup>・山縣 一夫<sup>1</sup>・宮本 裕史<sup>1</sup>・安齋 政幸<sup>2</sup>・加藤 博己<sup>2</sup>・宮本 圭<sup>1</sup>・東 里香<sup>1</sup>・Kolodeznikov Igor I.<sup>3</sup>・Protopopov Albert V.<sup>3</sup>・Plotnikov Valerii V.<sup>3</sup>・細井 美彦<sup>1</sup>・三谷 匡<sup>1</sup>・松本 和也<sup>1</sup>・入谷 明<sup>2</sup>
- 近畿大学大学院生物理工学研究科<sup>1</sup>・近畿大学先端技術総合研究所<sup>2</sup>・Department of Mammoth Faunal Studies, Sakha (Yakutia) Republic Academy of the Sciences<sup>3</sup>
- P21A** 2万8千年前のケナガマンモスの筋肉組織と骨髄組織のプロテオーム解析  
Proteomic analysis of muscle and bone marrow tissues obtained from a 28,000-year-old woolly mammoth.
- 永井 宏平<sup>1</sup>・宮本 裕史<sup>1</sup>・安齋 政幸<sup>2</sup>・東 里香<sup>1</sup>・西端 智也<sup>1</sup>・山縣 一夫<sup>1</sup>・加藤 博己<sup>2</sup>・宮本 圭<sup>1</sup>・Kolodeznikov Igor I.<sup>3</sup>・Protopopov Albert V.<sup>3</sup>・Plotnikov Valerii V.<sup>3</sup>・細井 美彦<sup>1</sup>・三谷 匡<sup>1</sup>・松本 和也<sup>1</sup>・入谷 明<sup>2</sup>
- 近畿大学大学院生物理工学研究科<sup>1</sup>・近畿大学先端技術総合研究所<sup>2</sup>・Department of Mammoth Faunal Studies, Sakha (Yakutia) Republic Academy of the Sciences<sup>3</sup>
- P22B** 1分子酵素活性プロファイリングによる疾患関連酵素の超高感度検出  
Single Enzyme Activity-based Protein Profiling - A Methodology for Ultra-sensitive Detection of Disease-related Alterations of Enzymatic Activities
- 坂本 眞伍<sup>1</sup>・小松 徹<sup>1</sup>・渡邊 力也<sup>2</sup>・張 翼<sup>3</sup>・井上 大輝<sup>1</sup>・川口 充康<sup>4</sup>・中川 秀彦<sup>4</sup>・植野 高章<sup>5</sup>・奥坂 拓志<sup>6</sup>・本田 一文<sup>7</sup>・野地 博行<sup>3,8</sup>・浦野 泰照<sup>1,9,10</sup>
- 東大院薬<sup>1</sup>・理研<sup>2</sup>・東大院工<sup>3</sup>・名市大院薬<sup>4</sup>・大阪歯大<sup>5</sup>・国立がん研究センター中央病院<sup>6</sup>・国立がんセンター研究所<sup>7</sup>・革新的研究開発推進プログラム<sup>8</sup>・東大院医<sup>9</sup>・AMED-CREST<sup>10</sup>
- P23C** 定量的末端プロテオミクスによる膜タンパク質シェディングサイトの大規模解析  
Quantitative terminomics for large-scale identification of cleavage sites generated by ectodomain shedding
- 津曲 和哉<sup>1,2</sup>・張 智翔<sup>2</sup>・山本 英人<sup>2</sup>・杉山 直幸<sup>2</sup>・石濱 泰<sup>2</sup>
- 慶應義塾大学<sup>1</sup>・京都大学<sup>2</sup>

- P24D** 時系列のプロテオーム解析による乾燥肌改善メカニズムの推定  
Time series proteomic analysis unravels the mechanism of dry skin improvement
- 笹岡 俊<sup>1,2</sup>・我部 有<sup>1,3</sup>・内山 雅普<sup>1,4</sup>  
花王株式会社<sup>1</sup>・解析科学研究所<sup>2</sup>・生物科学研究所<sup>3</sup>・スキンケア研究所<sup>4</sup>
- P25A** クロスリンク質量分析(XL-MS)によるNF1関連病態因子TCTPと翻訳伸長因子群の相互作用形式の解明  
Elucidation of the interaction between NF1-associated factor TCTP and translation elongation factors by cross-linking Mass Spectrometry(XL-MS)
- 椋木 浩太・小林 大樹・徳田 高穂・荒木 令江  
熊本大学大学院生命科学研究部 医学教育部 腫瘍医学分野
- P26B** 安定同位体標識法とGeLC-MS/MS法を組み合わせたタンパク質存在様式の比較分析法の確立と応用  
Comparative Analysis for Posttranslational Modification and Proteolytic Profiles by GeLC-MS/MS Method coupled with Stable Isotope Labeling
- 伊藤 大晃<sup>1</sup>・紺野 亮<sup>1</sup>・福井 朋也<sup>2</sup>・松井 崇<sup>1</sup>・長塩 亮<sup>3</sup>・佐藤 雄一<sup>3,4</sup>・小寺 義男<sup>1,4</sup>  
北里大学理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学医学部呼吸器内科学<sup>2</sup>・北里大学医療衛生学部臨床検査学研究室<sup>3</sup>・北里大学理学部附属疾患プロテオミクスセンター<sup>4</sup>
- P27C** エクソソーム内包タンパク質の免疫アッセイ定量  
Immunological-based Quantification of Exosome-enclosed Proteins
- 高橋 昭博・丸谷 曜子・岡嶋 孝太郎・十亀 祥久  
株式会社住化分析センター
- P28D** 高深度/ハイスループットプロテオミクスに向けた非標識定量法の開発  
Development of the label-free quantitation proteomics platforms with deep, robust and fast workflows
- 西野 耕平<sup>1</sup>・梶田 遼<sup>2</sup>・上野 光正<sup>3</sup>・Nicolai Bache<sup>4</sup>・高畑 良雄<sup>1</sup>・板東 泰彦<sup>3</sup>・碓井 史彦<sup>3</sup>・川上 隆雄<sup>1</sup>  
株式会社メディカル・プロテオスコープ<sup>1</sup>・ブルカー・ジャパン株式会社<sup>2</sup>・エーエムアール株式会社<sup>3</sup>・Evosep Biosystems Co.<sup>4</sup>

- P29A** 転写因子c-Mycと相互作用するタンパク質の効果的な同定法の開発  
Development of an effective method for identification of proteins interacting with c-Myc
- 立石 千瑛・松本 雅記・中山 敬一  
九州大学 生体防御医学研究所
- P30B** モノリスシリカキャピラリーカラムを用いた多成分ペプチドのLC分離とMS検出におけるメタノール移動相の効果  
Impact of Methanol Mobile Phase for the Peptide Separation and Detection on LC/MS Using Monolithic Silica Capillary Column
- 小林 宏資・和田 啓男  
信和化工株式会社
- P31C** 高速のMicroFlow LCによるワークフローを拡張するためにData Independent Acquisition(DIA)の迅速化の有用性  
Accelerating DIA studies to extend workflow utility, using fast microflow LC gradients
- 柴田 猛<sup>1</sup>・横山 亮<sup>1</sup>・Morrice Nick<sup>2</sup>・Hunter Christie<sup>3</sup>  
K.K. AB SCIEX<sup>1</sup>・SCIEX, UK<sup>2</sup>・SCIEX, USA<sup>3</sup>
- P32D** MALDI-TOF-MS用新規マトリックスの6-臭化フェルラ酸の特徴とプロテオーム解析への応用  
The availability of 6-bromoferulic acid as a novel common-use matrix for MALDI-TOF-MS in proteomic analysis
- 坂本 安<sup>1</sup>・○ 廣澤 成美<sup>1</sup>・森口 武史<sup>1</sup>・鈴木 悠子<sup>1</sup>・玄 美燕<sup>2</sup>・高山 淳<sup>2</sup>・岡崎 真理<sup>2</sup>・坂本 武史<sup>1</sup>  
埼玉医科大学<sup>1</sup>・城西大学<sup>2</sup>
- P33A** nanoLC-MSを用いたインタクトタンパク質の翻訳後修飾解析  
Analysis of intact protein PTMs by nanoLC-MS
- 加納 圭子<sup>1</sup>・新美 敦子<sup>2</sup>・鈴木 元<sup>2</sup>・小林 宏資<sup>3</sup>・和田 啓男<sup>3</sup>・桑田 啓子<sup>1</sup>  
名古屋大学トランスフォーマティブ生命分子研究所(WPI-ITbM)<sup>1</sup>・藤田医科大学<sup>2</sup>・(株)信和化工<sup>3</sup>

**P34B** Identification of the O-GalNAc glycoproteomes related to the malignancy of Cholangiocarcinoma

○ Detarya Marutpong<sup>1,2</sup>・小林 大樹<sup>3</sup>・Sawanyawisuth Kanlayanee<sup>1,2</sup>・Wongkham Sopit<sup>1,2</sup>・Silsirivanit Atit<sup>1,2</sup>・Wongkham Chaisiri<sup>1,2</sup>・荒木 令江<sup>3</sup>

Department of Biochemistry, Faculty of Medicine, Khon Kaen University<sup>1</sup>・Cholangiocarcinoma Research Institute, Khon Kaen University<sup>2</sup>・Department of Tumor Genetics and Biology, Graduate School of Medical Sciences, Kumamoto University<sup>3</sup>

**P35C** シアル酸結合様式特異的誘導体化法を用いた糖ペプチド解析法の開発  
Development of a method to analyze glycopeptides using sialic acid linkage-specific derivatization

○ 津元 裕樹<sup>1</sup>・西風 隆司<sup>2</sup>・関谷 禎規<sup>2</sup>・岩本 慎一<sup>2</sup>・田中 耕一<sup>2</sup>・三浦 ゆり<sup>1</sup>・遠藤 玉夫<sup>1</sup>  
東京都健康長寿医療センター研究所<sup>1</sup>・島津製作所<sup>2</sup>

**P36D** 出芽酵母におけるプロテオームバランスの改変とその細胞増殖能への影響  
Optimization of the proteome balance to increase the growth rate of budding yeast

○ 田口 広和・紀藤 圭治  
明治大学大学院 農学研究科

**P37A** 大腸菌細胞質プロテアーゼ欠損株の定量プロテオミクス解析  
Proteome-wide analysis of bacterial cytosolic protease deletion mutants

○ 丹羽 達也<sup>1,2</sup>・上村 英里<sup>1</sup>・茶谷 悠平<sup>1</sup>・田口 英樹<sup>1,2</sup>  
東京工業大学 科学技術創成研究院<sup>1</sup>・東京工業大学 生命理工学院<sup>2</sup>

**P38B** マウスの小腸・大腸を対象としたペプチドーム解析の基礎的検討  
Peptidome analysis for the murine small and large intestines

○ 中川 譲<sup>1</sup>・山田 拓也<sup>1</sup>・佐藤 雅<sup>2</sup>・松井 崇<sup>1</sup>・板倉 誠<sup>3</sup>・岩渕 和也<sup>2</sup>・小寺 義男<sup>1,4</sup>  
北里大学理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学医学部免疫学<sup>2</sup>・北里大学医学部生化学<sup>3</sup>・北里大学理学部  
附属疾患プロテオミクスセンター<sup>4</sup>

- P39C** ペプチドミクスによる尿からのバイオマーカー探索手法の確立を目指して  
Establishing the workflow of biomarker discovery by urine peptidomics.
- 平尾 嘉利<sup>1</sup>・Elguoshy Amr<sup>1</sup>・許 波<sup>1</sup>・齋藤 卓<sup>1</sup>・藤中 秀彦<sup>2</sup>・宮崎 滋<sup>3</sup>・山本 恵子<sup>1</sup>・山本 格<sup>1</sup>  
新潟大学生体液バイオマーカーセンター<sup>1</sup>・国立病院機構新潟病院<sup>2</sup>・信楽園病院<sup>3</sup>
- P40D** 高感度・網羅的同定のためのペプチドタグ導入酵母の作製  
An approach toward high sensitive and comprehensive proteomic analysis by integration of unique peptide-tags
- 佐竹 航平・三宅 賢治・紀藤 圭治  
明治大学 農学部
- P41A** 定量プロテオーム解析による骨粗鬆症の血清バイオマーカー探索  
**(2S3-5)** Quantitative proteomic analysis of potential serum biomarker for osteoporosis
- 中居 佑介<sup>1</sup>・木村 鮎子<sup>1</sup>・森山 佳谷乃<sup>1</sup>・香川 裕之<sup>1</sup>・井野 洋子<sup>1</sup>・熊谷 研<sup>2</sup>・齋藤 知行<sup>3</sup>・  
木村 弥生<sup>1</sup>・平野 久<sup>1</sup>  
横浜市立大学先端医科学研究センター<sup>1</sup>・横浜市立大学 医学部 整形外科<sup>2</sup>・横浜市立脳卒中・神  
経脊椎センター<sup>3</sup>
- P42B** 同一患者から採取された化学療法前後の大腸癌肝転移巣を用いたプロテオミクス・リ  
**(2S3-6)** ン酸化プロテオミクス解析による化学療法耐性メカニズムの解明  
Quantitative proteomic analysis of colorectal cancer liver metastases resistant to postoperative adjuvant chemotherapy
- 軍司 大悟<sup>1,2</sup>・阿部 雄一<sup>1,4</sup>・足立 淳<sup>1</sup>・長山 聡<sup>3</sup>・坂井 義治<sup>2</sup>・朝長 毅<sup>1</sup>  
医薬基盤・健康・栄養研究所<sup>1</sup>・京都大学 大学院医学研究科 消化管外科<sup>2</sup>・がん研究会 有明病院  
消化管センター 大腸外科<sup>3</sup>・愛知県がんセンター分子診断トランスレーショナルリサーチ分野<sup>4</sup>
- P43C** Optimization of sample preparation methods for proteomic/phosphoproteomic analysis of small tissue samples
- 伊藤 寿宏・鳴海 良平・朝長 毅・足立 淳  
Laboratory of Proteome Research, National Institutes of Biomedical Innovation, Health and Nutrition



**P44D** ANCA 関連血管炎患者における自己抗原 Myeloperoxidase の翻訳後修飾の解析  
Comprehensive analysis of post-translational modifications on myeloperoxidase from patients with ANCA associated vasculitis.

○ 佐々木 琳子<sup>1</sup>・永井 宏平<sup>1,2</sup>・西端 智也<sup>2</sup>・佐藤 政秋<sup>3</sup>・佐藤 利行<sup>3</sup>・黒川 真奈絵<sup>4</sup>・  
加藤 智啓<sup>3</sup>

近畿大学生物理工学部<sup>1</sup>・近畿大学大学院生物理工学研究科<sup>2</sup>・聖マリアンナ医科大学大学院 疾患プロテオーム・分子病態治療学<sup>3</sup>・聖マリアンナ医科大学大学院 疾患バイオマーカー・標的分子制御学<sup>4</sup>

**P45A** 膜タンパク質に着目した乾燥ろ紙血プロテオーム解析法の開発  
Development of dried blood spot proteomics method focused on membrane proteins

○ 中島 大輔<sup>1</sup>・川島 祐介<sup>1</sup>・柴田 洋史<sup>2</sup>・八角 高裕<sup>2</sup>・伊佐 真彦<sup>2</sup>・井澤 和司<sup>2</sup>・西小森 隆太<sup>3</sup>・  
平家 俊男<sup>4</sup>・小原 収<sup>1</sup>

かずさDNA研究所<sup>1</sup>・京都大学医学部附属病院小児科<sup>2</sup>・久留米大学医学部小児科学講座<sup>3</sup>・兵庫県立尼崎総合医療センター<sup>4</sup>

**P46B** 心筋線維化の定量的評価法のための新規糖鎖マーカー開発に向けた、拡張型心筋症モデルマウス心臓のグライコーム・グライコプロテオーム解析

Glycomic and Glycoproteomic Approaches for Development of Novel Glyco-Biomarkers of Cardiac Fibrogenesis Using a Mouse Model of Dilated Cardiomyopathy

○ 岡谷 千晶<sup>1</sup>・錦織 充広<sup>2</sup>・佐藤 隆<sup>1</sup>・南野 直人<sup>2</sup>・梶 裕之<sup>1</sup>・久野 敦<sup>1</sup>

Biotechnology Research Institute for Drug Discovery, National Institute of Advanced Industrial Science and Technology<sup>1</sup>・Omics Research Center, National Cerebral and Cardiovascular Center<sup>2</sup>

**P47C** 質量分析と自動前処理を組み合わせた尿中微量アルブミン定量システムの開発  
Urinary Microalbumin Quantification System Combining Mass Spectrometry and Automated Preparation

○ 藤原 基<sup>1</sup>・鬼木 健太郎<sup>1,3</sup>・坂本 優季<sup>2</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,3,4</sup>・増田 豪<sup>1,3,4</sup>・島 圭介<sup>5</sup>・齊木 秀和<sup>5</sup>・  
陣内 秀昭<sup>6</sup>・猿渡 淳二<sup>1,3</sup>・大槻 純男<sup>1,3,4</sup>

熊本大学薬学部<sup>1</sup>・熊本大学大学院薬学教育部<sup>2</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>3</sup>・AMED-CREST<sup>4</sup>・島津製作所<sup>5</sup>・医療法人社団陣内会陣内病院<sup>6</sup>

- P48D** 抗菌薬投与による腸内細菌叢減少がマウス脳プロテオームに与える影響の解明  
The Effect of Intestinal Bacteria Reduced Conditions on the Mouse Brain Proteomes
- 八木 遼太郎<sup>1</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>  
熊本大学大学院薬学教育部<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>
- P49A** E-cadherin発現制御タンパク質の解析  
Functional analysis of EMT-related protein
- 井野 洋子<sup>1</sup>・梁 明秀<sup>2</sup>・平野 久<sup>1,3</sup>・木村 弥生<sup>1</sup>  
横浜市立大学 先端医科学研究センター<sup>1</sup>・横浜市立大学 医学部<sup>2</sup>・群馬パース大学 大学院<sup>3</sup>
- P50B** SWATH - MSによる小児と成人健常者尿の比較プロテオミクスの試み  
Comparative Urine Proteomics of Child and Adult Healthy Volunteers by SWATH-MS analysis
- 許 波<sup>1</sup>・平尾 嘉利<sup>1</sup>・嶋田 修一郎<sup>1</sup>・藤中 秀彦<sup>3</sup>・山本 恵子<sup>1</sup>・山本 格<sup>1,2</sup>  
Biofluid and Biomarker Center, Niigata University<sup>1</sup>・Shinrakuen Hospital<sup>2</sup>・Niigata Hospital<sup>3</sup>
- P51C** 大規模タンパク解析技術を応用したヒト腸内細菌研究  
Proteomic analysis reveals the gut microbiota as a novel regulator of host trypsin protease
- 渡辺 栄一郎<sup>1,4,5</sup>・李 優先<sup>1</sup>・川島 祐介<sup>2,6</sup>・成島 聖子<sup>1,4</sup>・Kearney Sean<sup>1,4</sup>・須田 亙<sup>3</sup>・服部 正平<sup>3</sup>・小原 収<sup>2,6</sup>・本田 賢也<sup>1,4</sup>  
理化学研究所生命医科学研究センター消化管恒常性研究チーム<sup>1</sup>・統合ゲノミクス研究チーム<sup>2</sup>・マイクロバイオーム研究チーム<sup>3</sup>・慶應義塾大学医学部微生物学・免疫学教室<sup>4</sup>・東京大学小児外科<sup>5</sup>・かずさDNA研究所<sup>6</sup>
- P52D** 短時間の質量分析計解析で多数のタンパク質を同時に測定する試み  
Trial LC-MS analysis with a short gradient time for proteomics of multiple samples
- 山本 恵子・平尾 嘉利・許 波・Amr Elguoshy・山本 格  
新潟大学生体液バイオマーカーセンター

- P53A** 胃がん内視鏡検体1個からの網羅的リン酸化プロテオミクス解析  
Comprehensive phosphoproteomics from single endoscopic biopsy of gastric cancer
- 平野 秀和<sup>1</sup>・○ 阿部 雄一<sup>2,3</sup>・青木 雅彦<sup>1</sup>・庄司 広和<sup>1</sup>・鬼谷 薫<sup>4</sup>・田口 歩<sup>3</sup>・本田 一文<sup>4</sup>・朴 成和<sup>1</sup>・朝長 毅<sup>2</sup>・足立 淳<sup>2</sup>
- 国立がんセンター中央病院, 消化管内科<sup>1</sup>・医薬基盤・健康・栄養研究所, プロテオームリサーチプロジェクト<sup>2</sup>・愛知県がんセンター研究所, 分子診断トランスレーショナルリサーチ分野<sup>3</sup>・国立がん研究センター研究所, 早期診断バイオマーカー開発部門<sup>4</sup>
- P54B** 骨外性骨肉腫は骨肉腫とは異なるキナーゼ活性と薬剤反応を示す  
Extraskelatal Osteosarcomas exhibit distinct kinase activity profiles and drug response compared with osteosarcomas
- 野口 玲・服部 恵美・近藤 格
- 国立がん研究センター希少がん研究分野
- P55C** ヒト脳毛細血管内皮細胞におけるP-glycoprotein欠損がプロテオームに与える変動  
Effects of Loss of P-glycoprotein on the Proteome of Human Brain Capillary Endothelial Cells.
- 古西 修希<sup>1</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・上村 立記<sup>3</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・樋口 慧<sup>4</sup>・黒澤 俊樹<sup>4</sup>・手賀 悠真<sup>4</sup>・出口 芳春<sup>4</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>
- 熊本大学薬学部<sup>1</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>2</sup>・熊本大学大学院薬学教育部<sup>3</sup>・帝京大学薬学部<sup>4</sup>
- P56D** 高脂肪食を摂取したマウスの肝臓におけるタンパク質存在量の変化  
Comprehensive analysis of the effects of high-fat diet on protein abundance in the mouse liver using SWATH acquisition method.
- 山脇 瑳也花<sup>1</sup>・○ 三澤 成葉<sup>1</sup>・西端 智也<sup>2</sup>・長嶺 凜子<sup>1</sup>・淡路 智貴<sup>1</sup>・大世渡 勇紀<sup>1</sup>・阪上 綾花<sup>1</sup>・岸田 邦博<sup>1,2</sup>・永井 宏平<sup>1,2</sup>
- 近畿大学生物理工学部<sup>1</sup>・近畿大学大学院生物理工学研究科<sup>2</sup>

- P57A** ジオール結合タグを用いた回収型分子標的薬の開発  
Development of Retrievable Molecular Target Drug using Diol-binding tag
- 辻 祥太郎・今井 浩三  
神奈川県立がんセンター臨床研究所
- P58B** 質量分析を超える血漿プロテオミクスー血漿リポドミクスとの統合へ  
Human Plasma Proteomics beyond Mass Spectrometry-Integration with Lipidomics
- 浜野 文三江<sup>1</sup>・徳岡 涼美<sup>1</sup>・足達 俊吾<sup>2</sup>・夏目 徹<sup>2</sup>・小田 吉哉<sup>1</sup>  
東京大学大学院医学系研究科<sup>1</sup>・産業技術総合研究所臨海副都心センター<sup>2</sup>
- P59C** 脂肪組織由来多系統前駆細胞(ADMPC)由来Trophic因子のプロテオーム解析  
Proteomic analysis of the trophic factors derived from adipose tissue-derived multi-lineage progenitor cell (ADMPC)
- 沢田 啓吾・竹立 匡秀・森本 千晶・平井 麻絵・下村 純平・川崎 公輔・岩山 智明・北村 正博・村上 伸也  
大阪大学大学院歯学研究科
- P60D** 腫瘍微小環境に関連するチロシンキナーゼの解析  
Analysis of tyrosine kinases involved in cancer microenvironment
- 山田 実里<sup>1</sup>・上里 裕樹<sup>1</sup>・森澤 啓子<sup>2</sup>・坂本 修士<sup>2</sup>・木下 英司<sup>3</sup>・木下 恵美子<sup>3</sup>・小池 透<sup>3</sup>・亀下 勇<sup>1</sup>・杉山 康憲<sup>1</sup>  
香川大学<sup>1</sup>・高知大学<sup>2</sup>・広島大学<sup>3</sup>
- P61A** 左室駆出率が保たれた心不全のヒト心筋プロテオーム解析  
Proteomic Analysis of Human Myocardium in Heart Failure with Preserved Ejection Fraction.
- 佐藤 瑞穂<sup>1</sup>・津元 裕樹<sup>2</sup>・鳥羽 梓弓<sup>3</sup>・梅澤 啓太郎<sup>2</sup>・川上 恭司郎<sup>2</sup>・副島 友莉恵<sup>1</sup>・新井 富生<sup>4</sup>・原田 和昌<sup>3</sup>・三浦 ゆり<sup>2</sup>・沢辺 元司<sup>1</sup>  
東京医科歯科大学 医歯学総合研究科 分子病理検査学分野<sup>1</sup>・東京都健康長寿医療センター研究所老化機構研究チーム<sup>2</sup>・東京都健康長寿医療センター 循環器内科<sup>3</sup>・東京都健康長寿医療センター 病理診断科<sup>4</sup>

**P62B** Methyloproteomics of the maintenance and differentiation of glioma cancer stem cells

○ Baron Byron<sup>1</sup>・小林 大樹<sup>2</sup>・仁科 由美<sup>2</sup>・池田(西山) 友貴<sup>2</sup>・荒木 令江<sup>2</sup>

Centre of Molecular Medicine and Biobanking, University of Malta<sup>1</sup>・Department of Tumor Genetics and Biology, Graduate School of Medical Sciences, Kumamoto University<sup>2</sup>

**P63C** 末梢組織における受容体型チロシンキナーゼの概日変動  
Diurnal variation of receptor tyrosine kinases in peripheral tissues

○ 上里 裕樹<sup>1</sup>・森澤 啓子<sup>2</sup>・坂本 修士<sup>2</sup>・亀下 勇<sup>1</sup>・杉山 康憲<sup>1</sup>

香川大学<sup>1</sup>・高知大学<sup>2</sup>

**P64D** ゼブラフィッシュをモデルとしたチロシン硫酸化の生理機能解明  
Studies on Post-Translational Modification by Tyrosine Sulfation Using a Vertebrate Animal Model, Zebrafish

○ 奥田 菜月<sup>1</sup>・黒木 勝久<sup>1</sup>・近藤 知己<sup>2</sup>・三城 恵美<sup>1,3</sup>・剣持 直哉<sup>4</sup>・Liu Ming Cheh<sup>5</sup>・水光 正仁<sup>1</sup>・榊原 陽一<sup>1</sup>

宮崎大学農学部<sup>1</sup>・JA 宮崎経済連<sup>2</sup>・愛知県がんセンター研究所<sup>3</sup>・宮崎大学フロンティア<sup>4</sup>・トレド大学薬学部<sup>5</sup>

**P65A** 甲状腺癌患者血清から単離した細胞外小胞のプロテオーム解析  
Proteomic analysis of serum extracellular vesicles from thyroid cancer patients

○ 川上 恭司郎<sup>1</sup>・江戸 直樹<sup>2</sup>・盛田 幸司<sup>2</sup>・石川 敏夫<sup>2</sup>・小野瀬 裕之<sup>3</sup>・福森 龍也<sup>4</sup>・津元 裕樹<sup>1</sup>・三浦 ゆり<sup>1</sup>・藤田 泰典<sup>5</sup>・伊藤 雅史<sup>5</sup>

東京都健康長寿医療センター研究所 老化機構研究チーム<sup>1</sup>・帝京大学医学部内科学講座<sup>2</sup>・金地病院内科<sup>3</sup>・金地病院外科<sup>4</sup>・東京都健康長寿医療センター研究所 老化制御研究チーム<sup>5</sup>

**P66B** 肺腺癌における上皮-間葉移行を標的とした血清診断マーカーの獲得  
Acquisition of Sero-diagnostic Markers for Epithelial-Mesenchymal Transition in Lung Adenocarcinoma

○ 土屋 紅緒<sup>1</sup>・柳田 憲吾<sup>2</sup>・紺野 亮<sup>3</sup>・小寺 義男<sup>3,4</sup>・佐藤 雄一<sup>2</sup>

北里大学医療衛生学部病理学<sup>1</sup>・北里大学医療衛生学部臨床検査学<sup>2</sup>・北里大学理学部物理学<sup>3</sup>・北里大学理学部疾患プロテオミクスセンター<sup>4</sup>

**P67C** 細胞老化代謝ネットワークのタンパク質絶対定量解析  
Profiling the metabolic signature of cellular senescence by DIA-based absolute quantification method

○ 押川 清孝<sup>1</sup>・松本 雅記<sup>2</sup>・中山 敬一<sup>1</sup>

Dept. Molecular and Cellular Biology<sup>1</sup>・Div. Proteomics<sup>2</sup>, MIB, Kyushu Univ.

**P68D** 脳の機能状態モニタリングを目指した脳脊髄液の詳細な比較分析への取り組み  
Approach to in-depth comparative analysis of cerebrospinal fluid aiming at functional status monitoring of the brain

○ 角田 貴樹<sup>1</sup>・紺野 亮<sup>1</sup>・板倉 誠<sup>2</sup>・松井 崇<sup>1</sup>・小寺 義男<sup>1,3</sup>

北里大学理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学医学部生化学<sup>2</sup>・北里大学理学部附属疾患プロテオミクスセンター<sup>3</sup>

**P69A** 発達期におけるシナプス後肥厚のリモデリング  
**(3S1-5)** Remodeling of postsynaptic density (PSD) during development

○ 貝塚 剛志<sup>1</sup>・鈴木 健裕<sup>2</sup>・堂前 直<sup>2</sup>・内匠 透<sup>1</sup>

理化学研究所 脳神経科学研究センター 精神生物学研究 チーム<sup>1</sup>・理化学研究所 環境資源科学研究センター 生命分子解析ユニット<sup>2</sup>

**P70B** 事後ペプチドシーケンスタグの利用によるタンパク質同定の精度向上  
Improvement of protein identification accuracy using posterior peptide sequence tags

○ 吉沢 明康<sup>1</sup>・田畑 剛<sup>1,2</sup>・岩崎 未央<sup>2</sup>・杉山 直幸<sup>1</sup>・Lukas Käll<sup>3</sup>・石濱 泰<sup>1</sup>

京都大院薬<sup>1</sup>・京都大IPS 研<sup>2</sup>・スウェーデン王立工大 (KTH)<sup>3</sup>

**P71C** 定量的リン酸化プロテオミクスを用いたキノーム活性解析  
**(3S1-6)** Kinome Activity Analysis Based on Quantitative Phosphoproteomics

○ 吉川 侑樹・杉山 直幸・石濱 泰

京都大学大学院薬学研究科

**P72D** プロテオーム、メタボローム、トランスクリプトームなどのマルチオミクスデータを用いた  
**(3S1-7)** 疾患メカニズム解析

Analysis of mechanisms of disease by multi-omics data using KeyMolnet, an integration platform for biological information.

○ 谷口 理恵・重高 美紀・井上 陽子・岩崎 奈可子・太田 美枝子・増野 和子・宮原 静・重高 誠

株式会社 KMデータ

**P73A** Hunting of MS/MS peptide fragment profiles of human missing proteins stranded in the public proteome database

○ Elguoshy Amr<sup>1</sup>・平尾 嘉利<sup>1</sup>・許 波<sup>1</sup>・齋藤 卓<sup>1</sup>・嶋田 修一郎<sup>1</sup>・山本 恵子<sup>1</sup>・山本 格<sup>1,2</sup>

Biofluid and Biomarker Center, Niigata University<sup>1</sup>・Shinrakuen Hospital<sup>2</sup>

**P74B** Network-assisted Ligand-Receptor Interactome Highlights the Microenvironment Niche for Adipocyte Differentiation

○ 張 心儀<sup>1,2</sup>・石濱 泰<sup>1</sup>

Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Kyoto University<sup>1</sup>・Graduate Institute of Metabolism and Obesity Sciences, Taipei Medical University<sup>2</sup>

**P75C** 1細胞プロテオミクスを目指した油中液滴法による微量タンパク質前処理技術の開発  
**(3S2-5)**

Improvement of Peptide Recovery in Small-Scale Sample Preparation by Water Droplet in Oil

○ 稲森 悠真<sup>1</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>

Graduate School of Pharmaceutical Sciences, Kumamoto University<sup>1</sup>・Faculty of Life Sciences, Kumamoto University<sup>2</sup>・AMED-CREST<sup>3</sup>

**P76D** 次世代メタボローム分析法:親水性相互作用/陰イオン交換クロマトグラフィータンデム  
**(3S2-6)** 質量分析の開発

A novel analytical method for large-scale metabolomic analysis by unified HILIC/AEX/MS/MS

○ 中谷 航太<sup>1</sup>・和泉 自泰<sup>1</sup>・高橋 政友<sup>1</sup>・櫻井 恵太<sup>2</sup>・佛願 道男<sup>2</sup>・馬場 健史<sup>1</sup>

九州大学生体防御医学研究所<sup>1</sup>・日立化成テクノサービス株式会社<sup>2</sup>

- P77A** シングルセルプロテオミクスに資する細胞回収前処理装置の開発  
Development of an integrated single-cell isolation and sample preparation device for single-cell shotgun proteomic analysis
- 秦 康祐<sup>1</sup>・和泉 自泰<sup>1</sup>・原 健士<sup>1</sup>・平藤 衛<sup>2</sup>・山村 昌平<sup>3</sup>・松本 雅記<sup>1</sup>・馬場 健史<sup>1</sup>  
九州大学生体防御医学研究所<sup>1</sup>・ヨダカ技研<sup>2</sup>・産総研健康工学<sup>3</sup>
- P78B** マウス卵母細胞を用いた微量サンプル解析のためのLC-MS/MS定量解析法の検討  
Evaluation of the Sample Preparation Methods for Mouse Oocyte Proteomics
- 中川 れい子<sup>1</sup>・森 雅志<sup>2</sup>・三品 達平<sup>2</sup>・京極 博久<sup>2</sup>・北島 智也<sup>2</sup>・清水 義宏<sup>3</sup>・工樂 樹洋<sup>1</sup>  
理化学研究所 生命機能研究センター 分子配列比較解析チーム<sup>1</sup>・染色体分配研究チーム<sup>2</sup>・無細胞タンパク質合成研究チーム<sup>3</sup>
- P79C** 肺腺癌におけるTRAP1の術後補助化学療法の治療効果予測マーカーとしての有用性評価  
Evaluation of usefulness of TRAP1 as a predictive marker for adjuvant chemotherapy in lung adenocarcinoma.
- 朽津 有紀<sup>1</sup>・長塩 亮<sup>1,2</sup>・井川 聡<sup>3</sup>・土屋 紅緒<sup>1,4</sup>・佐藤 雄一<sup>1,2</sup>  
北里大学大学院 医療系研究科 応用腫瘍病理学<sup>1</sup>・北里大学 医療衛生学部 臨床検査学<sup>2</sup>・北里大学 医学部 呼吸器内科学<sup>3</sup>・北里大学 医療衛生学部 病理学<sup>4</sup>
- P80D** 血漿ペプチドミクスによる新規生理活性ペプチドの探索  
Exploring novel bioactive peptide candidates in human plasma
- 小寺 義男<sup>1,2</sup>・藤本 和美<sup>1,3</sup>・中川 譲<sup>1</sup>・斎藤 達也<sup>2,3</sup>・川島 祐介<sup>2</sup>・七里 眞義<sup>3</sup>  
北里大学 理学部物理学科<sup>1</sup>・北里大学 理学部附属疾患プロテオミクスセンター<sup>2</sup>・北里大学 医学部 内分泌代謝内科<sup>3</sup>
- P81A** 抗体固体化磁気ビーズを用いたImmuno-MSによる血清マーカー定量法の開発  
Development of the immuno-MS work flows for serum biomarker quantification using the antibodies immobilized on the magnetic beads
- 高畑 良雄<sup>1</sup>・西野 耕平<sup>1</sup>・羽生 尚広<sup>2</sup>・川上 隆雄<sup>1</sup>  
株式会社メディカル・プロテオスコープ<sup>1</sup>・多摩川精機株式会社<sup>2</sup>



- P82B** 定量的プロテオームLFQ(label free quantification)の誤差範囲  
Error range of quantitative proteome LFQ (Label free Quantification).
- 堂前 直・鈴木 健裕  
理化学研究所環境資源科学研究センター
- P83C** RRAI(round-robin analysis of all isotopic signals)法による定量プロテオミクス  
Quantitative Proteomics by LC-MS with round-robin analysis of all isotopic signals
- 森 大<sup>1,2</sup>・大沼 澄子<sup>1</sup>・富田 勝<sup>1,2</sup>・曾我 朋義<sup>1,2</sup>  
慶應義塾大学先端生命科学研究所<sup>1</sup>・慶應義塾大学大学院政策・メディア研究科<sup>2</sup>
- P84D** TMT解析におけるinterferenceの機種間比較と設定条件の最適化  
Comparison of interference effect across different LC-MSs and optimization of data acquisition method in TMT-based analysis
- 磯山 純子<sup>1</sup>・渡邊 史生<sup>2</sup>・朝長 毅<sup>1</sup>・足立 淳<sup>1</sup>  
国立研究開発法人医薬基盤・健康・栄養研究所、プロテオームリサーチプロジェクト<sup>1</sup>・サーモフィッシュャーサイエンティフィック株式会社<sup>2</sup>
- P85A** TMT<sup>TM</sup>試薬を用いた定量プロテオミクスにおけるイオンモビリティ技術の活用  
Application of ion mobility for TMT quantification.
- 渡邊 史生・肥後 大輔  
サーモフィッシュャーサイエンティフィック株式会社
- P86B** IS-PRM法を用いたシグナル伝達経路に対する網羅的な定量モニタリング分析  
Comprehensive signaling pathway monitoring using IS-PRM method
- 永島 良樹・渡邊 史生・肥後 大輔  
サーモフィッシュャーサイエンティフィック株式会社

**P87C** 1,300超の合成ペプチドを用いたヒト血漿細胞外小胞体における大規模SRM解析の最適化

Optimized Method for Large-scale SRM Analysis by More Than 1,300 Synthesized Peptides in Human Plasma Extracellular Vesicles

○ 笠原 桂子<sup>1,2</sup>・鳴海 良平<sup>1</sup>・清水 義宏<sup>3</sup>・益田 恵子<sup>3</sup>・江崎 剛史<sup>4</sup>・朝長 毅<sup>1</sup>・長山 聡<sup>5</sup>・坂井 義治<sup>2</sup>・足立 淳<sup>1</sup>

医薬基盤・健康・栄養研究所プロテオームリサーチプロジェクト<sup>1</sup>・京都大学大学院医学研究科 消化管外科<sup>2</sup>・理化学研究所生命機能科学研究センター 無細胞タンパク質合成研究チーム<sup>3</sup>・滋賀大学 データサイエンス教育研究センター<sup>4</sup>・がん研究会有明病院消化器センター大腸外科<sup>5</sup>

**P88D** 包括的な物性解析によって見えてきたハブ毒蛋白質のSDSによる多量体化  
SDS-induced oligomerization of toxic component Phospholipase A2 in snake venom

○ 松井 崇<sup>1,2</sup>・鎌田 しずか<sup>2</sup>・石井 健太郎<sup>3</sup>・丸野 孝浩<sup>4</sup>・Ghanem Nouran<sup>2</sup>・内山 進<sup>3,4</sup>・加藤 晃一<sup>3,5,6</sup>・鈴木 淳巨<sup>7</sup>・上田 直子<sup>8</sup>・小川 智久<sup>2</sup>・田中 良和<sup>2,9</sup>

北里大理<sup>1</sup>・東北大院生命科学<sup>2</sup>・自然科学研究機構・生命創成探索セ<sup>3</sup>・大阪大院工<sup>4</sup>・名古屋市 大院薬<sup>5</sup>・自然科学研究機構分子研<sup>6</sup>・名古屋大院工<sup>7</sup>・崇城大学<sup>8</sup>・JST さきがけ<sup>9</sup>

**P89A** 内部標準による高精度・高感度定量解析に向けたアプローチ  
**(2WS4-4)** An Approach Toward Quantitative Proteomics with High Accuracy and Sensitivity Using Internal Standards

○ 三宅 賢治・佐竹 航平・紀藤 圭治  
明治大学 農学部

**P90B** N末側アミノ酸配列が及ぼす大腸菌由来無細胞系タンパク質合成量への影響  
Influence of the N-Terminal Amino Acid Sequence on E. coli Cell-Free Protein Expression

○ 森 彩乃<sup>1</sup>・高畑 智宏<sup>2</sup>・八木 遼太郎<sup>2</sup>・金子 由依<sup>1</sup>・増田 豪<sup>1,2,3</sup>・伊藤 慎悟<sup>1,2,3</sup>・大槻 純男<sup>1,2,3</sup>

熊本大学薬学部<sup>1</sup>・熊本大学大学院薬学教育部<sup>2</sup>・熊本大学大学院生命科学研究部<sup>3</sup>

**P91C** 無細胞合成と質量分析を用いたタンパク質の絶対多重定量法  
Absolute and multiplex protein quantification method using cell-free protein synthesis and mass spectrometry

○ 益田 恵子<sup>1</sup>・笠原 桂子<sup>2</sup>・鳴海 良平<sup>2</sup>・清水 義宏<sup>1</sup>

理化学研究所 生命機能科学研究センター 無細胞タンパク質合成研究チーム<sup>1</sup>・医薬基盤・健康・栄養研究所 プロテオームリサーチプロジェクト<sup>2</sup>

**P92D** 無細胞合成したペプチド・コンカテマーを利用したタンパク質同定結果の網羅的なバリデーションへ向けて

Optimizing a strategy for conclusive validation of protein identification by mass spectrometry using cell-free synthesized concatenated peptides

○ 野村 勇太・堂前 直

Biomolecular Characterization Unit, RIKEN Center for Sustainable Resource Science